

SEQUENCE LISTING

<110> Lee, Sang Yup
Choi, Jong Gil

<120> DNA CHIP USING CODON SCANNING ALGORITHM

<130> HYLEE55.001AUS

<150> KOREA 10-2000-57208

<151> 2000-09-29

<160> 14

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer 1

<400> 1

gccctgtgac attcttcga

19

<210> 2

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer 2

<400> 2

gctgctgtta cctttgccca

19

<210> 3

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer 3

<400> 3

gatgtttgac aagactggca

20

<210> 4

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer 4

 <400> 4
 cctctttaca gtatttggtg a 21

 <210> 5
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer 5

 <400> 5
 caatcgcaga cgctgtcaa 19

 <210> 6
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer 6

 <400> 6
 ctgtacctgg gtggcaata 19

 <210> 7
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer 7

 <400> 7
 taaagggaag aaagtcgcca 20

 <210> 8
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer 8

 <400> 8
 gctgcctcga tggccaca 18

 <210> 9
 <211> 16
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
<223> tgcctggaag tccgtgca
18

<400> 9
cagccaccgg cccagg

16

<210> 10
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> ctttcacttc acccctct
18

<400> 10
ccagccacag gccagg

17

<210> 11
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> gagcacagag ccatgtgca
19

<400> 11
ctacgtctag gagaagcca

19

<210> 12
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer 10

<400> 12
gagcacagag ccatgtgca

19

<210> 13
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer 11

<400> 13
ctttcacttc acccctct

18

<210> 14

<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer 12

<400> 14
tgcttggaag tccgtgca

18

18
17
16
15
14
13
12
11
10
9
8
7
6
5
4
3
2
1

0